

A TOPIGS az alomsúlyokért és az almok egyöntetűségéért felelős SNP-ket (egyszerű nukleotid-polimorfizmusokat) talált

A TOPIGS olyan SNP-ket (egyszerű nukleotid-polimorfizmusokat) fedezett fel, amelyek megmagyarázzák az almok születési súlyának és az almok egyöntetűségének genetikai változatosságát, és amelyek arra használhatók, hogy nagy létszámú, nagysúlyú és egységes almokat fialó kocákat tenyészessenek ki.

Ezek az SNP-k csaknem 0,5-ös korrelációban vannak az állat valós tenyésztékével. Ez azt jelenti, hogy a születési súlyban és az alom egyöntetűségben tapasztalható genetikai változatosság csaknem 50%-át ezek az SNP-k magyarázzák. A fiatal tenyészkan-jelöltek tenyésztékének megbízhatósága majdnem 30%-kal jobb így, mint azokban az esetekben, amikor az SNP-információt nem alkalmazzák.

Az újonnan felfedezett SNP-k felgyorsítják a genetikai előrehaladást. A fiatal tenyészkan-jelöltek genetikai minősége az alom születési súlya és az alom egyöntetűsége terén, még teljesítményvizsgálatuk befejezése előtt előrejelezhető. A múltban a genetikai minőség különbségei csak teljes testvérek között, ivadékaik eredményei alapján voltak megállapíthatóak.

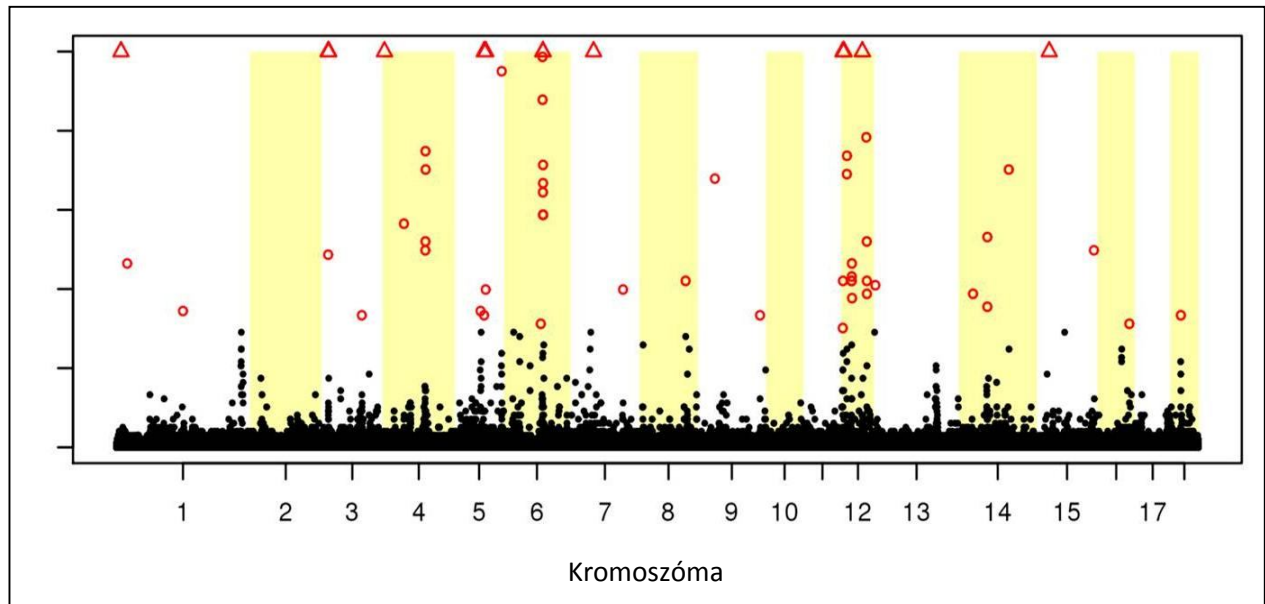
A nagy születési súllyal induló malacok jobb teljesítményt nyújtanak. A nagy születési alomsúlyok és az almokon belül a születési súlyok egyöntetűsége ezért rendkívül előnyös a modern sertés-előállító rendszerekben. A nagyobb születési súlyú malacok hamarabb kerülhetnek piacra anélkül, hogy a vágott test minőségére ez káros hatást gyakorolna. A nagy súlyú, egységes almok könnyebbé és kevésbé munkaigényessé teszik a termelést. A nagy súlyú malacok esetében ezért nagyobb lesz a teljes árrés.

A genomikai szelekciós technológia segítségével a TOPIGS képes e rendkívül fontos gazdasági tulajdonságok terén felgyorsítani a genetikai előrehaladást. A TOPIGS egyedülálló adathalmazzal rendelkezik, amelyben évente 500 000 egyedi születési súlyt gyűjtenek össze, és a túlélési adatokat. A TOPIGS évek óta gyűjti a születési súlyokat, és mára több mint 5 millió születési súlyt tartalmazó adatbázissal rendelkezik. Ennek az adathalmaznak az összekombinálása a genomikai szelekciós technológiával, egyedülálló lehetőséget kínál az extra genetikai előrehaladásra

Az évente több mint 1 100 000 keresztezett kocasüldőt és több mint 7 millió adag spermát előállító TOPIGS a világ legnagyobb genetikai ellátóinak egyike. A TOPIGS számos országban vagy piacvezető, vagy a legfontosabb ellátók egyike. A TOPIGS a sertésstenyésztés előrehaladásáért dolgozik. Ez azt jelenti, hogy a kutatás, az innováció és a genetikai előrehaladás alkotja cégünk mérföldköveit. Termékeink folyamatos fejlesztése révén tesszük lehetővé ügyfeleink számára, hogy maximális eredményeket érjenek el.

Tájékoztatás a sajtó számára: lásd a csatolt illusztrációt

*További információért kérjük,
forduljanak az alábbi személyhez:
Peter Loenen
Kommunikációs igazgató TOPIGS
Telefon + 31 411 648846
Email Peter.Loenen@ TOPIGS.com*



Ez a Manhattan plot azt mutatja, hogy az alom egyöntetűségéért felelős SNP-k a sertés 18. kromoszómáján helyeződnek el. A piros pontok mutatják az alom egyöntetűségével szignifikáns korrelációt mutató SNP-eket. A háromszögek nagymértékben szignifikáns korrelációt mutató SNP-eket jeleznek.